

Lampiran 1. Formulir Data Dasar

FORM DATA SUBYEK PENELITIAN

No Subyek : Case/Control

Tanggal Pengisian :

No. Rekam Medik :

Nama :

Umur :

Jenis Kelamin :

Suku/etnis :

Pekerjaan :

Alamat :

No. Telepon :

Keluhan :

Diabetes Melitus :

Penyakit Ginjal Kronis:

Laboratorium : Darah Lengkap :

Kimia Darah :

Gene Expert :

Foto toraks :

Diagnosa :



Lampiran 2. Penjelasan Untuk Mengikuti Penelitian

PENJELASAN UNTUK MENGIKUTI PENELITIAN

1. Kami adalah peserta didik Program Pendidikan Dokter Spesialis Paru (PPDS Paru) Universitas Brawijaya Malang yang bernama dr. David Alvianto dengan ini meminta anda untuk berpartisipasi dengan sukarela dalam penelitian yang berjudul “Hubungan Polimorfisme Interferon Gamma +874T/A dengan Kerentanan dan Derajat Keparahan Penyakit Tuberkulosis Paru di Malang Indonesia”
2. Tujuan dari penelitian ini mengetahui prevalensi dan hubungan antara variasi genetik (unit pewarisan sifat) terhadap penyakit Tuberkulosis dapat memberi pengetahuan antara hubungan variasi genetik (unit pewarisan sifat) di Malang, Indonesia terhadap kerentanan terhadap penyakit tuberkulosis paru resisten obat. Penelitian ini akan berlangsung selama 4 bulan dan sampel berupa darah tepi sebanyak 3 mL yang akan diambil dengan cara desinfeksi dan aspirasi menggunakan jarum suntik
3. Prosedur pengambilan sampel darah tepi dengan cara ini mungkin menyebabkan rasa nyeri dan memar tetapi anda tidak perlu khawatir karena tidak berbahaya dan dapat diatasi dengan kompres dingin
4. Keuntungan yang anda peroleh dalam keikutsertaan anda adalah anda dapat mengetahui hubungan variasi gen (unit pewarisan sifat) dengan penyakit anda
5. Seandainya anda tidak menyetujui cara ini maka anda boleh tidak mengikuti penelitian ini sama sekali. Untuk itu anda tidak akan dikenai sanksi apapun.
6. Nama dan jati diri anda sebagai partisipan akan tetap dirahasiakan

PENELITI

(dr. David Alvianto)

Lampiran 3. Pernyataan Persetujuan Berpartisipasi Dalam Penelitian
PERNYATAAN PERSETUJUAN UNTUK
BERPARTISIPASI DALAM PENELITIAN
(INFORMED CONSENT)

Saya yang bertanda tangan di bawah ini :

Nama :

Usia :
 :

Jenis Kelamin :

Alamat :

1. Telah mengerti dan memahami apa yang tercantum dalam lembar penjelasan di atas dan telah dijelaskan oleh peneliti. Dengan ini saya menyatakan bahwa saya secara sukarela bersedia untuk ikut serta menjadi salah satu subjek penelitian yang berjudul "Hubungan Polimorfisme Interferon Gamma +874T/A dengan Kerentanan dan Derajat Keparahan Penyakit Tuberkulosis Paru di Malang Indonesia"

”.

Malang,....., 2018

Peneliti

Yang membuat pernyataan

(dr. David Alvianto)
 NIM 128070300011002

(_____)

Saksi 1

Saksi 2

(_____)

(_____)

Lampiran 4. Formulir “Informed Consent”

DEPARTEMEN PULMONOLOGI DAN ILMU KEDOKTERAN RESPIRASI

RS Dr. SAIFUL ANWAR MALANG

Formulir *Informed Consent*/Surat Persetujuan

Formulir *informed consent* / persetujuan ini untuk pasien yang berobat ke poli paru RSUD Dr. Saiful Anwar Malang dan diajak untuk berpartisipasi dalam penelitian mengenai Polimorfisme Interferon Gamma +874T/A dengan Kerentanan dan Derajat Keparahan Penyakit Tuberkulosis Paru

BAGIAN I

PEMBUKAAN

Saya, dr. David Alvianto, Peserta didik Pendidikan Dokter Spesialis Paru (PPDSP) Universitas Brawijaya Malang, saat ini saya sedang melakukan penelitian mengenai tuberkulosis paru yang merupakan penyakit paru yang banyak didapatkan di masyarakat.

Saya akan memberikan informasi kepada Bapak/Ibu dan mengajak Bapak/Ibu untuk berpartisipasi dalam penelitian ini. Bapak/Ibu tidak harus memutuskan untuk berpartisipasi dalam penelitian ini saat ini juga. Sebelum memutuskan, Bapak/Ibu dapat berembuk/berkonsultasi dengan orang lain.

Mungkin ada beberapa kata atau kalimat yang tidak Bapak/Ibu pahami. Bila hal tersebut terjadi, Bapak/Ibu dapat bertanya kepada saya dan saya akan memberikan penjelasan.

TUJUAN

Tujuan dari penelitian ini mengetahui prevalensi dan hubungan antara variasi genetik (unit pewarisan sifat) terhadap penyakit Tuberkulosis dapat memberi pengetahuan antara hubungan variasi genetik (unit pewarisan sifat) di Malang, Indonesia terhadap kerentanan dan derajat keparahan penyakit tuberkulosis paru

INTERVENSI PENELITIAN

Tidak dilakukan intervensi pada penelitian ini.

PEMILIHAN PARTISIPAN

Partisipan dalam penelitian ini adalah semua penderita tuberkulosis paru termasuk tuberkulosis paru resisten obat yang berusia 14 sampai 65 tahun dan tetap menggunakan terapi medikamentosa standar dari poli paru yang berobat ke poli paru RSSA Malang.

JENIS PARTISIPASI

Partisipasi dalam penelitian ini bersifat sukarela. Merupakan pilihan bagi pasien untuk ikut atau tidak dalam penelitian ini. Bila pasien memilih untuk tidak mengikuti dalam penelitian ini semua pelayanan kesehatan akan tetap diberikan sesuai dengan pedoman.

PROSEDUR DAN PROTOKOL

Prosedur pengambilan sampel berupa darah tepi sebanyak 3 mL yang akan diambil dengan cara desinfeksi dan aspirasi menggunakan jarum suntik

DESKRIPSI PROSES PENELITIAN

Setelah terbukti pasien tuberkulosis paru dan bersedia mengikuti penelitian, pasien akan saya lakukan pengambilan darah sebanyak 3 cc untuk pemeriksaan polimorfisme interferon gamma +874T/A. Sampel darah tersebut akan kami analisa di laboratorium Biosains Universitas Brawijaya Malang.

LAMA PENELITIAN

Penelitian berlangsung selama 4 bulan. Selama masa penelitian pasien hanya perlu datang satu kali saja untuk diambil sampel darah tepi.

EFEK SAMPING

Tidak ada efek samping dalam penelitian ini. Prosedur pengambilan sampel darah tepi dengan cara ini mungkin menyebabkan rasa nyeri dan memar tetapi anda tidak perlu kuatir karena tidak berbahaya dan dapat diatasi dengan kompres dingin.

KEUNTUNGAN

Keuntungan yang anda peroleh dalam keikutsertaan anda adalah anda dapat mengetahui hubungan variasi gen (unit pewarisan sifat) dengan penyakit anda

DATA DAN HASIL PENELITIAN

Semua informasi tentang pasien dalam penelitian akan menjadi rahasia antara peneliti dengan pasien. Pihak peneliti tidak akan membocorkan penyakit pasien. Hasil penelitian akan diinformasikan kepada pasien. Hasil penelitian juga akan dipublikasikan secara luas sebagai sumber penelitian selanjutnya. Dalam publikasi

tersebut data pasien / sampel penelitian akan dirahasiakan atau tidak ikut dipublikasikan.

KOMPENSASI

Setiap subjek penelitian akan mendapatkan kompensasi yang sesuai dengan pengorbanannya, berupa penggantian biaya transportasi sebesar Rp 50.000,- untuk kontrol ke Poli Paru RSSA.



Lampiran 5. Analisa Statistik

Statistik deskriptif kelompok umur

Descriptives

		Statistic	Std. Error	
Usia	Mean	33.31	1.322	
	95% Confidence Interval for Mean	Lower Bound	30.68	
		Upper Bound	35.94	
	5% Trimmed Mean	32.72		
	Median	30.50		
	Variance	139.787		
	Std. Deviation	11.823		
	Minimum	18		
	Maximum	67		
	Range	49		
	Interquartile Range	20		
	Skewness	.640	.269	
	Kurtosis	-.424	.532	

Descriptives

Kelompok			Statistic	Std. Error
Kontrol	Mean		27.19	1.195
	95% Confidence Interval for Mean	Lower Bound	24.73	
		Upper Bound	29.65	
	5% Trimmed Mean		27.18	
	Median		28.50	
	Variance		37.122	
	Std. Deviation		6.093	
	Minimum		18	
	Maximum		37	
	Range		19	
	Interquartile Range		11	
	Skewness		-.267	.456
	Kurtosis		-1.287	.887
	TB DS	Mean		35.37
95% Confidence Interval for Mean		Lower Bound	30.15	
		Upper Bound	40.59	
5% Trimmed Mean			35.14	
Median			34.00	
Variance			174.011	
Std. Deviation			13.191	
Minimum			18	
Maximum			58	

	Range		40	
	Interquartile Range		27	
	Skewness		.234	.448
	Kurtosis		-1.469	.872
TB RR	Mean		37.15	2.418
	95% Confidence Interval for Mean	Lower Bound	32.18	
		Upper Bound	42.12	
	5% Trimmed Mean		36.63	
	Median		39.00	
	Variance		157.900	
	Std. Deviation		12.566	
	Minimum		18	
	Maximum		67	
	Range		49	
	Interquartile Range		22	
	Skewness		.335	.448
	Kurtosis		-.488	.872

Uji normalitas Data kelompok umur

Tests of Normality

Kelompok	Statistic	Kolmogorov-Smirnov ^a			Shapiro-Wilk			
		df	Sig.		Statistic	df	Sig.	
Usia	Kontrol		.207	26	.006	.904	26	.019
	TB DS		.145	27	.155	.907	27	.020
	TB RR		.137	27	.200*	.937	27	.103

*. This is a lower bound of the true significance.

a. Lilliefors Significance Correction

Nonparametric Tests

Hypothesis Test Summary

	Null Hypothesis	Test	Sig.	Decision
1	The distribution of Usia is the same across categories of Kelompok.	Independent-Samples Kruskal-Wallis Test	.014	Reject the null hypothesis.

Asymptotic significances are displayed. The significance level is .05.

Mann-Whitney Test

Kelompok	N	Ranks	
		Mean Rank	Sum of Ranks
Kontrol	26	22.54	586.00
TB DS	27	31.30	845.00
Total	53		

Test Statistics^a

Usia	
Mann-Whitney U	235.000
Wilcoxon W	586.000
Z	-2.067
Asymp. Sig. (2-tailed)	.039

a. Grouping Variable: Kelompok

Ranks

Kelompok	N	Mean Rank	Sum of Ranks
Kontrol	26	20.75	539.50
TB RR	27	33.02	891.50
Total	53		

Test Statistics^a

Usia	
Mann-Whitney U	188.500
Wilcoxon W	539.500
Z	-2.896
Asymp. Sig. (2-tailed)	.004

a. Grouping Variable: Kelompok

Ranks

Kelompok	N	Mean Rank	Sum of Ranks
TB DS	27	26.74	722.00
TB RR	27	28.26	763.00
Total	54		

Test Statistics^a

Usia	
Mann-Whitney U	344.000
Wilcoxon W	722.000
Z	-.355
Asymp. Sig. (2-tailed)	.722

a. Grouping Variable: Kelompok

Transformasi data**Case Processing Summary**

	Cases					
	Valid		Missing		Total	
	N	Percent	N	Percent	N	Percent
tusia	80	100.0%	0	0.0%	80	100.0%

		Statistic	Std. Error
tusia	Mean	5.6848	.11225
	95% Confidence Interval for Mean	Lower Bound	5.4614
		Upper Bound	5.9082
	5% Trimmed Mean	5.6535	
	Median	5.5225	

Variance	1.008	
Std. Deviation	1.00399	
Minimum	4.24	
Maximum	8.19	
Range	3.94	
Interquartile Range	1.76	
Skewness	.372	.269
Kurtosis	-.832	.532

Tests of Normality

	Kolmogorov-Smirnov ^a			Shapiro-Wilk		
	Statistic	df	Sig.	Statistic	df	Sig.
tusia	.100	80	.045	.952	80	.005

a. Lilliefors Significance Correction

Nonparametric Test

Hypothesis Test Summary

	Null Hypothesis	Test	Sig.	Decision
1	The distribution of Usia is the same across categories of Kelompok.	Independent-Samples Kruskal-Wallis Test	.014	Reject the null hypothesis.

Asymptotic significances are displayed. The significance level is .05.

Uji statistik kelompok penghasilan

Case Processing Summary

	Valid		Cases Missing		Total	
	N	Percent	N	Percent	N	Percent
TB * Penghasilan 2	54	100.0%	0	0.0%	54	100.0%

TB * Penghasilan 2 Crosstabulation

Count		Penghasilan 2					
		0-500	500-1000	1000-2000	2000-3000	3000-4000	4000-5000
TB	TB DS	8	0	9	6	3	1
	TB RR	1	5	11	8	2	0
Total		9	5	20	14	5	1
TB		TB DS					27
TB		TB RR					27
Total							54

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)
Pearson Chi-Square	12.130 ^a	5	.033
Likelihood Ratio	15.204	5	.010
Linear-by-Linear Association	.422	1	.516
N of Valid Cases	54		

a. 8 cells (66.7%) have expected count less than 5. The minimum expected count is .50.

Risk Estimate

	Value
Odds Ratio for TB (TB DS / TB RR) ^a	

a. Risk Estimate statistics cannot be computed. They are only computed for a 2*2 table without empty cells.

FREKUENSI ALEL DAN GENOTIP

TB SO vs Kontrol

Frequencies

	Allel A		
	Observed N	Expected N	Residual
A	41	15.5	25.5
total	106	131.5	-25.5
Total	147		

Test Statistics

	Allel A
Chi-Square	47.064 ^a
df	1
Asymp. Sig.	.000

a. 0 cells (0.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 15.5.

Frequencies

	Allel T		
	Observed N	Expected N	Residual
T	13	30.4	-17.4
Total	106	88.6	17.4
Total	119		

Test Statistics

	Allel T
--	---------

Chi-Square	13.378 ^a
df	1
Asymp. Sig.	.000

a. 0 cells (0.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 30.4.

Frequencies

Genotype TT

	Observed N	Expected N	Residual
Genotype TT	3	11.0	-8.0
Total	53	45.0	8.0
Total	56		

Test Statistics

Genotype TT	
Chi-Square	7.280 ^a
Df	1
Asymp. Sig.	.007

a. 0 cells (0.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 11.0.

Frequencies

Genotype TA

	Observed N	Expected N	Residual
Genotype TA	7	8.7	-1.7
Total	53	51.3	1.7
Total	60		

Test Statistics

Genotype TA	
Chi-Square	.393 ^a
df	1
Asymp. Sig.	.531

a. 0 cells (0.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 8.7.

Frequencies

Genotype AA

	Observed N	Expected N	Residual
Genotype AA	17	4.9	12.1
Total	53	65.1	-12.1
Total	70		

Test Statistics

Genotype AA	
Chi-Square	31.989 ^a
df	1

Asymp. Sig. .000

a. 1 cells (50.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 4.9.

TB RO vs Kontrol

Frequencies

Allel A

	Observed N	Expected N	Residual
1	37	20.4	16.6
2	106	122.6	-16.6
Total	143		

Test Statistics

Allel A	
Chi-Square	15.683 ^a
df	1
Asymp. Sig.	.000

a. 0 cells (0.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 20.4.

Frequencies

Allel T

	Observed N	Expected N	Residual
1	17	31.4	-14.4
2	106	91.6	14.4
Total	123		

Test Statistics

Allel T	
Chi-Square	8.892 ^a
df	1
Asymp. Sig.	.003

a. 0 cells (0.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 31.4.

Frequencies

Genotipe TT

	Observed N	Expected N	Residual
1	2	11.2	-9.2
2	53	43.8	9.2
Total	55		

Test Statistics

Genotype TT	
Chi-Square	9.449 ^a
df	1
Asymp. Sig.	.002

a. 0 cells (0.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 11.2.

Frequencies

Genotype TA			
	Observed N	Expected N	Residual
1	13	9.9	3.1
2	53	56.1	-3.1
Total	66		

Test Statistics

Genotype TA	
Chi-Square	1.142 ^a
df	1
Asymp. Sig.	.285

a. 0 cells (0.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 9.9.

Frequencies

Genotype AA			
	Observed N	Expected N	Residual
1	12	4.7	7.3
2	53	60.3	-7.3
Total	65		

Test Statistics

Genotype AA	
Chi-Square	12.066 ^a
df	1
Asymp. Sig.	.001

a. 1 cells (50.0%) have expected frequencies less than 5. The minimum expected cell frequency is 4.7.

HUBUNGAN DENGAN KERENTANAN TB

Kerentanan terhadap TB (SO&RO)

Allel A * TB Crosstabulation

Allel A	Ada	TB		Total
		Case	Control	
	Count	49	13	62
	Expected Count	41.9	20.2	62.0

Tidak Ada	Count	5	13	18
	Expected Count	12.2	5.9	18.0
Total	Count	54	26	80
	Expected Count	54.0	26.0	80.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	16.705 ^a	1	.000		
Continuity Correction ^b	14.450	1	.000		
Likelihood Ratio	15.945	1	.000		
Fisher's Exact Test				.000	.000
Linear-by-Linear Association	16.496	1	.000		
N of Valid Cases	80				

a. 0 cells (0.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 5.85.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Allel A (Ada / Tidak Ada)	9.800	2.955	32.506
For cohort TB = Case	2.845	1.336	6.059
For cohort TB = Control	.290	.166	.509
N of Valid Cases	80		

Allel T * TB Crosstabulation

Allel T		TB		Total
		Case	Control	
Ada	Count	25	22	47
	Expected Count	31.7	15.3	47.0
Tidak ada	Count	29	4	33
	Expected Count	22.3	10.7	33.0
Total	Count	54	26	80
	Expected Count	54.0	26.0	80.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	10.633 ^a	1	.001		
Continuity Correction ^b	9.111	1	.003		
Likelihood Ratio	11.553	1	.001		
Fisher's Exact Test				.001	.001
Linear-by-Linear Association	10.501	1	.001		
N of Valid Cases	80				

a. 0 cells (0.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 10.73.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

Value	95% Confidence Interval
-------	-------------------------

		Lower	Upper
Odds Ratio for Allel T (Ada / Tidak ada)	.157	.048	.516
For cohort TB = Case	.605	.450	.814
For cohort TB = Control	3.862	1.467	10.166
N of Valid Cases	80		

Genotype * TB Crosstabulation

Genotype		TB		Total
		Kasus	Kontrol	
AA	Count	29	4	33
	Expected Count	22.0	11.0	33.0
TT	Count	5	13	18
	Expected Count	12.0	6.0	18.0
Total	Count	34	17	51
	Expected Count	34.0	17.0	51.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)
Pearson Chi-Square	18.932 ^a	1	.000		
Continuity Correction ^b	16.324	1	.000		
Likelihood Ratio	19.278	1	.000		
Fisher's Exact Test				.000	.000
Linear-by-Linear Association	18.561	1	.000		
N of Valid Cases	51				

a. 0 cells (.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 6.00.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (AA / TT)	18.850	4.340	81.864
For cohort TB = Kasus	3.164	1.486	6.735
For cohort TB = Kontrol	.168	.064	.439
N of Valid Cases	51		

Genotype * TB Crosstabulation

Genotype		TB		Total
		Kasus	Kontrol	
TA	Count	20	9	29
	Expected Count	15.4	13.6	29.0
TT	Count	5	13	18
	Expected Count	9.6	8.4	18.0
Total	Count	25	22	47
	Expected Count	25.0	22.0	47.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)

Pearson Chi-Square	7.567 ^a	1	.006		
Continuity Correction ^b	6.003	1	.014		
Likelihood Ratio	7.770	1	.005		
Fisher's Exact Test				.008	.007
Linear-by-Linear Association	7.406	1	.006		
N of Valid Cases	47				

a. 0 cells (.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 8.43.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (TA / TT)	5.778	1.579	21.141
For cohort TB = Kasus	2.483	1.134	5.437
For cohort TB = Kontrol	.430	.233	.794
N of Valid Cases	47		

Kerentanan terhadap TB SO

Allel A * Kelompok Crosstabulation

			Kelompok		Total
			TB DS	Kontrol	
Allel A	Ada	Count	24	13	37
		Expected Count	18.8	18.2	37.0
	Tidak ada	Count	3	13	16
		Expected Count	8.2	7.8	16.0
Total		Count	27	26	53
		Expected Count	27.0	26.0	53.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)
Continuity Correction ^b	7.749	1	.005		
Likelihood Ratio	10.040	1	.002		
Fisher's Exact Test				.003	.002
Linear-by-Linear Association	9.325	1	.002		
N of Valid Cases	53				

a. 0 cells (0.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 7.85.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Allel A (Ada / Tidak ada)	8.000	1.923	33.274
For cohort Kelompok = TB DS	3.459	1.214	9.858

For cohort Kelompok = Kontrol	.432	.263	.711
N of Valid Cases	53		

Allel T * Kelompok Crosstabulation

			Kelompok		Total
			TB DS	Kontrol	
Allel T	Ada	Count	10	22	32
		Expected Count	16.3	15.7	32.0
	Tidak	Count	17	4	21
		Expected Count	10.7	10.3	21.0
Total		Count	27	26	53
		Expected Count	27.0	26.0	53.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)
Pearson Chi-Square	12.533 ^a	1	.000		
Continuity Correction ^b	10.623	1	.001		
Likelihood Ratio	13.255	1	.000		
Fisher's Exact Test				.001	.000
Linear-by-Linear Association	12.297	1	.000		
N of Valid Cases	53				

a. 0 cells (0.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 10.30.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Allel T (Ada / Tidak)	.107	.029	.401
For cohort Kelompok = TB DS	.386	.222	.672
For cohort Kelompok = Kontrol	3.609	1.450	8.986
N of Valid Cases	53		

Genotype * Kelompok Crosstabulation

			Kelompok		Total
			TB DS	Kontrol	
Genotype	AA	Count	17	4	21
		Expected Count	11.4	9.6	21.0
	TT	Count	3	13	16
		Expected Count	8.6	7.4	16.0
Total		Count	20	17	37
		Expected Count	20.0	17.0	37.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)
Pearson Chi-Square	14.147 ^a	1	.000		

Continuity Correction ^b	11.754	1	.001		
Likelihood Ratio	15.157	1	.000		
Fisher's Exact Test				.000	.000
Linear-by-Linear Association	13.765	1	.000		
N of Valid Cases	37				

a. 0 cells (.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 7.35.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (AA / TT)	18.417	3.495	97.055
For cohort Kelompok = TB DS	4.317	1.525	12.226
For cohort Kelompok = Kontrol	.234	.094	.584
N of Valid Cases	37		

Genotype * TB DS Crosstabulation

Genotype		TB DS		Total
		TB DS	Kontrol	
TA	Count	7	9	16
	Expected Count	5.0	11.0	16.0
TT	Count	3	13	16
	Expected Count	5.0	11.0	16.0
Total	Count	10	22	32
	Expected Count	10.0	22.0	32.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)
Pearson Chi-Square	2.327 ^a	1	.127		
Continuity Correction ^b	1.309	1	.253		
Likelihood Ratio	2.377	1	.123		
Fisher's Exact Test				.252	.126
Linear-by-Linear Association	2.255	1	.133		
N of Valid Cases	32				

a. 0 cells (.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 5.00.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (TA / TT)	3.370	.682	16.650
For cohort TB DS = TB DS	2.333	.730	7.454
For cohort TB DS = Kontrol	.692	.423	1.132
N of Valid Cases	32		

Kerentanan terhadap TB RO**Allel A * Kelompok Crosstabulation**

Count

		Kelompok		Total
		TB RR	Kontrol	
Allel A	Ada	25	13	38
	Tidak	2	13	15
Total		27	26	53

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	11.841 ^a	1	.001		
Continuity Correction ^b	9.836	1	.002		
Likelihood Ratio	12.850	1	.000		
Fisher's Exact Test				.001	.001
Linear-by-Linear Association	11.618	1	.001		
N of Valid Cases	53				

a. 0 cells (0.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 7.36.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Allel A (Ada / Tidak)	12.500	2.443	63.964
For cohort Kelompok = TB RR	4.934	1.331	18.295
For cohort Kelompok = Kontrol	.395	.243	.640
N of Valid Cases	53		

Allel T * Kelompok Crosstabulation

Count

		Kelompok		Total
		TB RR	Kontrol	
Allel T	Ada	15	22	37
	Tidak	12	4	16
Total		27	26	53

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	5.307 ^a	1	.021		
Continuity Correction ^b	4.018	1	.045		
Likelihood Ratio	5.499	1	.019		
Fisher's Exact Test				.035	.021
Linear-by-Linear Association	5.207	1	.022		
N of Valid Cases	53				

- a. 0 cells (0.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 7.85.
b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Allel T (Ada / Tidak)	.227	.061	.841
For cohort Kelompok = TB RR	.541	.334	.875
For cohort Kelompok = Kontrol	2.378	.977	5.788
N of Valid Cases	53		

Genotype * Kelompok Crosstabulation

Genotype		Kelompok		Total
		TB RR	Kontrol	
AA	Count	12	4	16
	Expected Count	7.2	8.8	16.0
TT	Count	2	13	15
	Expected Count	6.8	8.2	15.0
Total	Count	14	17	31
	Expected Count	14.0	17.0	31.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)
Pearson Chi-Square	11.888 ^a	1	.001		
Continuity Correction ^b	9.528	1	.002		
Likelihood Ratio	12.909	1	.000		
Fisher's Exact Test				.001	.001
Linear-by-Linear Association	11.504	1	.001		
N of Valid Cases	31				

- a. 0 cells (.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 6.77.
b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (AA / TT)	19.500	3.006	126.515
For cohort Kelompok = TB RR	5.625	1.501	21.075
For cohort Kelompok = Kontrol	.288	.121	.690
N of Valid Cases	31		

Genotype * Kelompok Crosstabulation

Genotype		Kelompok		Total
		TB RR	Kontrol	
TA	Count	13	9	22
	Expected Count	8.9	13.1	22.0
TT	Count	2	13	15

	Expected Count	6.1	8.9	15.0
Total	Count	15	22	37
	Expected Count	15.0	22.0	37.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	7.747 ^a	1	.005		
Continuity Correction ^b	5.965	1	.015		
Likelihood Ratio	8.413	1	.004		
Fisher's Exact Test				.007	.006
Linear-by-Linear Association	7.538	1	.006		
N of Valid Cases	37				

a. 0 cells (.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 6.08.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (TA / TT)	9.389	1.691	52.130
For cohort Kelompok = TB RR	4.432	1.165	16.862
For cohort Kelompok = Kontrol	.472	.275	.810
N of Valid Cases	37		

HUBUNGAN DENGAN LESI PADA CXR

Allel A * CXR Crosstabulation

			CXR		Total
			Lesi Luas	Lesi Minimal	
Allel A	Ada	Count	37	12	49
		Expected Count	34.5	14.5	49.0
	Tidak Ada	Count	1	4	5
		Expected Count	3.5	1.5	5.0
Total		Count	38	16	54
		Expected Count	38.0	16.0	54.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	6.705 ^a	1	.010		
Continuity Correction ^b	4.307	1	.038		
Likelihood Ratio	6.074	1	.014		
Fisher's Exact Test				.023	.023
Linear-by-Linear Association	6.581	1	.010		
N of Valid Cases	54				

a. 2 cells (50.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 1.48.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Allel A (Ada / Tidak Ada)	12.333	1.254	121.304
For cohort CXR = Lesi Luas	3.776	.649	21.951
For cohort CXR = Lesi Minimal	.306	.158	.591
N of Valid Cases	54		

Allel T * CXR Crosstabulation

			CXR		Total
			Lesi Luas	Lesi Minimal	
Allel T	Ada	Count	15	10	25
		Expected Count	17.6	7.4	25.0
	Tidak ada	Count	23	6	29
		Expected Count	20.4	8.6	29.0
Total		Count	38	16	54
		Expected Count	38.0	16.0	54.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)
Pearson Chi-Square	2.401 ^a	1	.121		
Continuity Correction ^b	1.564	1	.211		
Likelihood Ratio	2.411	1	.120		
Fisher's Exact Test				.145	.106
Linear-by-Linear Association	2.357	1	.125		
N of Valid Cases	54				

a. 0 cells (0.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 7.41.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Allel T (Ada / Tidak ada)	.391	.117	1.303
For cohort CXR = Lesi Luas	.757	.522	1.095
For cohort CXR = Lesi Minimal	1.933	.819	4.565
N of Valid Cases	54		

Genotype * CXR Crosstabulation

			CXR		Total
			Minimal	Luas	
Genotype	TT	Count	4	1	5
		Expected Count	1.5	3.5	5.0
	AA	Count	6	23	29
		Expected Count	8.5	20.5	29.0
Total		Count	10	24	34

Expected Count	10.0	24.0	34.0
----------------	------	------	------

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	7.226 ^a	1	.007		
Continuity Correction ^b	4.652	1	.031		
Likelihood Ratio	6.621	1	.010		
Fisher's Exact Test				.019	.019
Linear-by-Linear Association	7.013	1	.008		
N of Valid Cases	34				

a. 2 cells (50.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 1.47.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (TT / AA)	15.333	1.436	163.756
For cohort CXR = Minimal	3.867	1.675	8.926
For cohort CXR = Luas	.252	.043	1.470
N of Valid Cases	34		

Genotype * CXR Crosstabulation

Genotype		CXR		Total
		Lesi Minimal	Lesi Luas	
TT	Count	4	1	5
	Expected Count	2.0	3.0	5.0
TA	Count	6	14	20
	Expected Count	8.0	12.0	20.0
Total	Count	10	15	25
	Expected Count	10.0	15.0	25.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	4.167 ^a	1	.041		
Continuity Correction ^b	2.344	1	.126		
Likelihood Ratio	4.212	1	.040		
Fisher's Exact Test				.121	.064
Linear-by-Linear Association	4.000	1	.046		
N of Valid Cases	25				

a. 2 cells (50.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 2.00.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (TT / TA)	9.333	.854	101.952

For cohort CXR = Lesi Minimal	2.667	1.198	5.936
For cohort CXR = Lesi Luas	.286	.048	1.688
N of Valid Cases	25		

HUBUNGAN DENGAN JUMLAH MTB DALAM SPUTUM TCM

Allele A * Jumlah MTB Crosstabulation

		Jumlah MTB			
		Banyak	Sedikit	Total	
Allele A	Ada	Count	33	16	49
		Expected Count	30.9	18.1	49.0
	Tidak Ada	Count	1	4	5
		Expected Count	3.1	1.9	5.0
Total		Count	34	20	54
		Expected Count	34.0	20.0	54.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)
Pearson Chi-Square	4.361 ^a	1	.037		
Continuity Correction ^b	2.567	1	.109		
Likelihood Ratio	4.278	1	.039		
Fisher's Exact Test				.057	.057
Linear-by-Linear Association	4.281	1	.039		
N of Valid Cases	54				

a. 2 cells (50.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 1.85.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Allele A (Ada / Tidak Ada)	8.250	.851	79.950
For cohort Jumlah MTB = Banyak	3.367	.577	19.648
For cohort Jumlah MTB = Sedikit	.408	.225	.740
N of Valid Cases	54		

Allele T * Jumlah MTB Crosstabulation

		Jumlah MTB			
		Banyak	Sedikit	Total	
Allele T	Ada	Count	12	13	25
		Expected Count	15.7	9.3	25.0
	Tidak ada	Count	22	7	29
		Expected Count	18.3	10.7	29.0
Total		Count	34	20	54
		Expected Count	34.0	20.0	54.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	4.469 ^a	1	.035		
Continuity Correction ^b	3.354	1	.067		
Likelihood Ratio	4.517	1	.034		
Fisher's Exact Test				.049	.033
Linear-by-Linear Association	4.387	1	.036		
N of Valid Cases	54				

a. 0 cells (0.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 9.26.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Allel T (Ada / Tidak ada)	.294	.092	.934
For cohort Jumlah MTB = Banyak	.633	.401	.999
For cohort Jumlah MTB = Sedikit	2.154	1.021	4.547
N of Valid Cases	54		

Genotype * Jumlah MTB Crosstabulation

Genotype		Jumlah MTB		Total
		Sedikit	Banyak	
TT	Count	4	1	5
	Expected Count	1.6	3.4	5.0
AA	Count	7	22	29
	Expected Count	9.4	19.6	29.0
Total	Count	11	23	34
	Expected Count	11.0	23.0	34.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2- sided)	Exact Sig. (2- sided)	Exact Sig. (1- sided)
Pearson Chi-Square	6.081 ^a	1	.014		
Continuity Correction ^b	3.796	1	.051		
Likelihood Ratio	5.748	1	.017		
Fisher's Exact Test				.029	.029
Linear-by-Linear Association	5.902	1	.015		
N of Valid Cases	34				

a. 2 cells (50.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 1.62.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (TT / AA)	12.571	1.198	131.895

For cohort Jumlah MTB = Sedikit	3.314	1.519	7.230
For cohort Jumlah MTB = Banyak	.264	.045	1.540
N of Valid Cases	34		

Genotype * Jumlah MTB Crosstabulation

Genotype		Jumlah MTB		Total
		Sedikit	Banyak	
TT	Count	4	1	5
	Expected Count	2.6	2.4	5.0
TA	Count	9	11	20
	Expected Count	10.4	9.6	20.0
Total	Count	13	12	25
	Expected Count	13.0	12.0	25.0

Chi-Square Tests

	Value	df	Asymptotic Significance (2-sided)	Exact Sig. (2-sided)	Exact Sig. (1-sided)
Pearson Chi-Square	1.963 ^a	1	.161		
Continuity Correction ^b	.811	1	.368		
Likelihood Ratio	2.088	1	.148		
Fisher's Exact Test				.322	.186
Linear-by-Linear Association	1.885	1	.170		
N of Valid Cases	25				

a. 2 cells (50.0%) have expected count less than 5. The minimum expected count is 2.40.

b. Computed only for a 2x2 table

Risk Estimate

	Value	95% Confidence Interval	
		Lower	Upper
Odds Ratio for Genotype (TT / TA)	4.889	.461	51.869
For cohort Jumlah MTB = Sedikit	1.778	.925	3.417
For cohort Jumlah MTB = Banyak	.364	.060	2.194
N of Valid Cases	25		

Lampiran 6. Kelayakan Etik Penelitian

RUMAH SAKIT UMUM DAERAH Dr SAIFUL ANWAR MALANG
Jl. Jaksa Agung Suprpto No.2 Malang
KOMISI ETIK PENELITIAN KESEHATAN
 TERAKREDITASI KARS VERSI 2012 TINGKAT PARIPURNA

RSSA

24 Februari 2015 s.d. 23 Februari 2018
 Jl. Jaksa Agung Suprpto No.2 MALANG 65111
 Telp. (0341) 362101, Fax. (0341) 369384
 E-mail : staf-rsu-drsaifulanwar@jatimprov.go.id
 Website : www.rsusaifulanwar.jatimprov.go.id

**KETERANGAN KELAIKAN ETIK
 PELAKSANAAN PENELITIAN**
 ("ETHICAL CLEARANCE")

No: 400/55/K.3/302 /2018

KOMISI ETIK PENELITIAN KESEHATAN RSUD Dr SAIFUL ANWAR MALANG, SETELAH MEMPELAJARI DENGAN SEKSAMA RANCANGAN PENELITIAN YANG DIUSULKAN, DENGAN INI MENYATAKAN BAHWA PENELITIAN DENGAN

JUDUL : Hubungan Polimorfisme Interferon Gamma +874T/A Dengan Kerentanan dan Derajat Keparahan Penyakit Tuberkulosis Paru di Malang Indonesia

PENELITI UTAMA : dr. David Alvianto

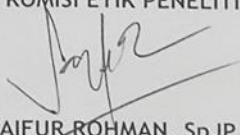
UNIT / LEMBAGA / TEMPAT PENELITIAN

RSUD Dr Saiful Anwar Malang

DINYATAKAN LAIK ETIK





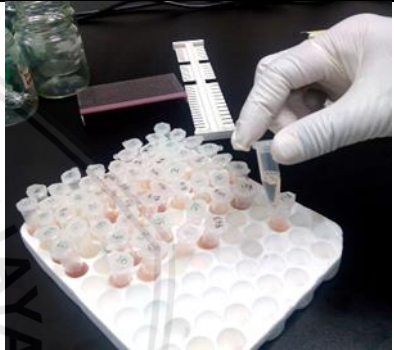

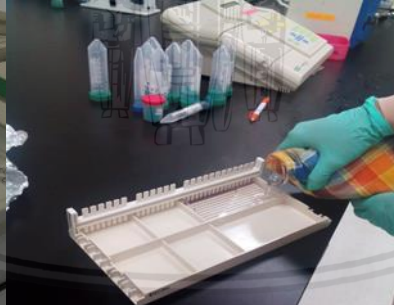

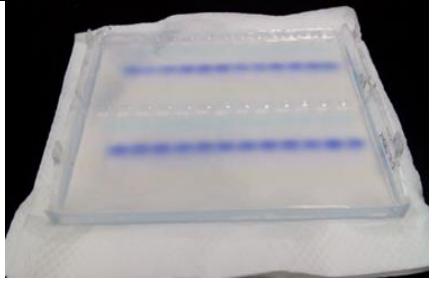


MALANG, 3 Maret 2018

KETUA TIM KOMISI ETIK PENELITIAN



dr. MOHAMMAD SAIFUR ROHMAN, SpJP (K)., PhD

Lampiran 7. Dokumentasi Proses Penelitian

														
<p>Sampel darah</p>	<p>Isolasi DNA dari darah</p>													
<table border="1"> <thead> <tr> <th>No</th> <th>Product Name</th> <th>Description</th> </tr> </thead> <tbody> <tr> <td>1.</td> <td>IFN1</td> <td>20-mer oligo (25 nmole scale, PCR Grade, 3 OD) TCA ACA AAG CTG ATA CTC CA</td> </tr> <tr> <td>2.</td> <td>IFN2</td> <td>24-mer oligo (25 nmole scale, PCR Grade, 3 OD) TTC TTA CAA CAC AAA ATC AAA TCT</td> </tr> <tr> <td>3.</td> <td>IFN3</td> <td>24-mer oligo (25 nmole scale, PCR Grade, 3 OD) TTC TTA CAA CAC AAA ATC AAA TCA</td> </tr> </tbody> </table>	No	Product Name	Description	1.	IFN1	20-mer oligo (25 nmole scale, PCR Grade, 3 OD) TCA ACA AAG CTG ATA CTC CA	2.	IFN2	24-mer oligo (25 nmole scale, PCR Grade, 3 OD) TTC TTA CAA CAC AAA ATC AAA TCT	3.	IFN3	24-mer oligo (25 nmole scale, PCR Grade, 3 OD) TTC TTA CAA CAC AAA ATC AAA TCA		
No	Product Name	Description												
1.	IFN1	20-mer oligo (25 nmole scale, PCR Grade, 3 OD) TCA ACA AAG CTG ATA CTC CA												
2.	IFN2	24-mer oligo (25 nmole scale, PCR Grade, 3 OD) TTC TTA CAA CAC AAA ATC AAA TCT												
3.	IFN3	24-mer oligo (25 nmole scale, PCR Grade, 3 OD) TTC TTA CAA CAC AAA ATC AAA TCA												
<p>Primer IFN-γ +874T/A</p>	<p>Persiapan sampel PCR</p>	<p>Sampel PCR</p>												
														
<p>Mesin PCR BIO RAD C1000</p>	<p>Pembuatan gel agarose</p>	<p>Proses elektroforesis</p>												
														
<p>Hasil elektroforesis</p>	<p>Foto sinar UV</p>	<p>Pembacaan pita DNA</p>												

Lampiran 8. Pernyataan Keaslian Tulisan**PERNYATAAN KEASLIAN TULISAN**

Saya yang bertanda tangan di bawah ini:

Nama : dr. David Alvianto

NIM : 128070300011002

Program Studi : Pendidikan Dokter Spesialis I Pulmonologi dan Ilmu
Kedokteran Respirasi Fakultas Kedokteran
Universitas Brawijaya Malang

menyatakan dengan sebenarnya bahwa Tugas Akhir yang saya tulis ini benar-benar hasil karya saya sendiri, bukan merupakan pengambil-alihan tulisan atau pikiran orang lain yang saya akui sebagai tulisan atau pikiran saya. Apabila di kemudian hari dapat dibuktikan bahwa Tugas Akhir ini adalah hasil jiplakan, maka saya bersedia menerima sanksi atas perbuatan tersebut.

Malang, 12 Maret 2018

Yang membuat pernyataan,

(dr. David Alvianto)

NIM 128070300011002

Lampiran 9. Data Subyek Penelitian

No	Nama	Umur	JK	Alamat	Pendidikan	Pekerjaan	Penghasilan	Status Perkawinan	Status merokok		CXR	Tipe TB	TCM	KU	Tipe kasus TB RO	Gen otip	Alel
									Ya	Tidak							
1	P1	43	L	Ds Kalirejo RT 4/1 Pagelaran Malang	SMA	Swasta (dagang)	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	high	sesak	relaps	TA	T,A
2	P2	19	L	Purwodadi Pasuruan	SMA	swasta	1.000.000-2.000.000	Belum Kawin	Ya		Moderate	TB DS	high	batuk lama		AA	A,A
3	P3	18	P	Pucang Sari RT 4/1 Pasuruan	SMA	siswa	(-)	Belum Kawin		Tidak	Moderate	TB DS	low	batuk lama		TA	T,A
4	P4	23	L	Jln Batu Amaril RT4/4 Pandanwangi Malang	SMA	karyawan Swasta	1.000.000-2.000.000	Belum Kawin	Ya		Milier	TB DS	low	batuk lama		AA	A,A
5	P5	34	L	Panggungrejo RT4/4 Kepanjen Malang	SMA	Swasta	2.000.000-3.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB DS	very low	batuk lama		TA	T,A
6	P6	50	L	Jln BarengRaya no 549 Malang	S1	Swasta	3.000.000-4.000.000	Kawin	Ya		Minimal	TB DS	low	batuk lama		TA	T,A
7	P7	21	L	Jln Madura RT 2/1 Kauman Ponorogo	SMA	Karyawan Swasta	3.000.000-4.000.000	Belum Kawin	Ya		Minimal	TB DS	very low	batuk lama		AA	A,A
8	P8	22	P	Dsn Wuluh RT 4/2 Kesambon Malang	SMA	Swasta	2.000.000-3.000.000	Belum Kawin		Tidak	Far Advanced	TB DS	high	hemoptoe		AA	A,A
9	P9	18	L	Jln Sawojajar no 46Malang	SMA	siswa	(-)	Belum Kawin	Ya		Moderate	TB DS	low	batuk lama		AA	A,A
10	P10	46	P	Sungi Kulon RT1/3 Pasuruan	SMA	IRT	(-)	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB RR	high	sesak	gagal Kat 2	AA	A,A
11	P11	34	P	Jln Permadi no 27 RT 5/4 Polehan Malang	SMA	IRT	(-)	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB DS	high	sesak		AA	A,A
12	P12	22	P	Jln Supriyadi Rt 13/3 Jabung Malang	SMA	IRT	(-)	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB DS	high	sesak		TA	T,A
13	P13	58	L	Jln Letjen S Parman Malang	S1	Pensiunan	(-)	Kawin	Ya		Far Advanced	TB DS	medium	sesak		TA	T,A
14	P14	46	L	Pasuruan	SMP	Petani	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	high	sesak	relaps	TA	T,A
15	P15	32	L	Perum Graha Candi Pasurun	S1	Swasta	3.000.000-4.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	high	hemoptoe	gagal Kat 2	AA	A,A
16	P16	52	L	Jalan Muharto, kedungkandang Kebonsari RT 1/1 Senggreng Malang	SMA	Petani	2.000.000-3.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB DS	medium	batuk lama		AA	A,A
17	P17	24	P	Jln S Supriyadi gg Lestari RT7/1 Malang	S1	Mahasiswa	(-)	Belum Kawin		Tidak	Far Advanced	TB DS	medium	sesak		AA	A,A
18	P18	50	L	Jln Tutut RT 6/8 Arjowinangun Malang	SMA	Swasta	3.000.000-4.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB DS	high	sesak		AA	A,A
19	P19	27	P	Jl Armadanom RT 3/5 Dampit Malang	SMA	IRT	(-)	Kawin		Tidak	Minimal	TB DS	low	batuk lama		TT	T,T
20	P20	39	P	Malang	SMA	IRT	(-)	Kawin		Tidak	Minimal	TB DS	medium	batuk lama		AA	A,A
21	P21	27	P	Malang	S1	Karyawan Swasta	2.000.000-3.000.000	Belum Kawin		Tidak	TB minimal lesion	TB DS	low	berat badan menurun		AA	A,A
22	P22	29	L	Jln Lesan puro RT 2/2 Malang	S1	Swasta	2.000.000-3.000.000	Belum Kawin	Ya		Far Advanced	TB DS	high	hemoptoe		AA	A,A

23	P23	41	L	Jln Sutan Syahrir, Wlingi Malang	S1	Swasta	2.000.000-3.000.000	Kawin			Far Advanced	TB RR	low	sesak	relaps	TA	T,A
24	P24	24	P	Jln Gatot Subroto Rt 1/7 pasuruan	S1	Swasta	2.000.000-3.000.000	Kawin		Tidak	Moderate	TB RR	very low	berat badan menurun	relaps	TA	T,A
25	P25	46	L	Jln Talang 4/1 Gempol Pasuruan	S1	Swasta	3.000.000-4.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	high	sesak	relaps	AA	A,A
26	P26	43	L	Jln Kol Sugiono 7A/24 Malang	SMA	Swasta	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB DS	high	hemoptoe		AA	A,A
27	P27	54	L	Blondet Wonorejo RT7/4 Singosari Malang	SMA	Petani	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB DS	high	sesak		TA	T,A
28	P28	46	P	Jln Sulawesi XI Pasuruan	SMA	Swasta	1.000.000-2.000.000	Kawin		Tidak	Moderate	TB DS	very low	batuk lama		TT	T,T
29	P29	40	L	Malang	S1	Swasta	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Moderate	TB RR	low	sesak	relaps	TA	T,A
30	P30	42	P	Jln Krantil RT 4/3 Blitar	SMP	Swasta	1.000.000-2.000.000	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB RR	medium	sesak	relaps	AA	A,A
31	P31	56	L	Dsn Krajan 3, RT 20/3 Kalipare	SMP	Pedagang	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Moderate	TB RR	medium	hemoptoe	relaps	TT	T,T
32	P32	67	P	Jln Arif Margono 11B Malang	SMA	swasta	500.000-1.000.000	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB RR	high	sesak	relaps	AA	A,A
33	P33	58	P	Jln Gadang 21B Malang	SMP	IRT	500.000-1.000.000	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB RR	medium	batuk lama	tidak konversi II	AA	A,A
34	P34	46	P	Jln Hasanudin 40/7 Kebonagung Malang	SMA	IRT	500.000-1.000.000	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB RR	low	sesak	relaps	TA	T,A
35	P35	37	L	Ds Ngadri RT 5/1 Blitar	SMA	Tani	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	medium	sesak	tidak konversi II	AA	A,A
36	P36	54	L	jln Argopuro VIII 4/4 Probolinggo	S1	Karyawan Swasta	4.000.000-5.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB DS	medium	hemoptoe		AA	A,A
37	P37	65	L	Jln Piranha Atas 17/4 Malang	SMA	swasta	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	medium	sesak	relaps	TA	T,A
38	P38	32	L	Jln Patimura No 16 RT 1/4 Blitar	S1	Swasta	2.000.000-3.000.000	Kawin		Tidak	Moderate	TB RR	medium	sesak	gagal kat I	TA	T,A
39	P39	31	L	Jln Cipeyem RT 2/7 Cianjur Bandung	S1	Swasta	2.000.000-3.000.000	Kawin	Ya		Moderate	TB RR	very low	hemoptoe	tidak konversi II	AA	A,A
40	P40	23	P	Jln Tirtoyudo Genting Lowokwaru Malang	D3	Swasta	2.000.000-3.000.000	Kawin		Tidak	Milier	TB DS	low	batuk lama		AA	A,A
41	P41	35	L	Jln Plaosan Timur, Malang	S1	Swasta	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB DS	medium	sesak		TA	T,A
42	P42	52	L	Satak Manarui Bangil	S1	Swasta	1.000.000-2.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	medium	sesak	tidak konversi II	TA	T,A
43																	
44	P43	26	L	Dsn Krajan Sumbergepoh Malang	D3	Karyawan Swasta	1.000.000-2.000.000	Belum Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	low	batuk lama	gagal kat I	TA	T,A

45	P44	64	L	Dsn Sumberagung RT 38/7 Turen Malang	SMA	Swasta	500.000-1.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	medium	nyeri dada	tidak konversi II	AA	A,A
46	P45	50	P	Malang	SMA	Pedagang	1.000.000-2.000.000	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB Ds	medium	nyeri dada		AA	A,A
47	P46	48	P	Malang	SMA	Pedagang	1.000.000-2.000.000	Kawin		Tidak	Minimal	TB DS	low	batuk lama		TT	T,T
48	P47	35	P	Malang	S1	Karyawan Swasta	1.000.000-2.000.000	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB DS	medium	batuk lama		AA	A,A
49	P48	22	P	Jln Arif Margono VI/773 RT 5/7 Malang	SMA	swasta	500.000-1.000.000	Belum Kawin		Tidak	Moderate	TB RR	low	sesak	kasus baru	TA	T,A
50	P49	47	L	Karang Bangkal RT1/6 Gempol	S1	Karyawan Swasta	2.000.000-3.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	high	hemoptoe	relaps	AA	A,A
51	P50	28	P	Dsn Sumberagung RT 38/7 Turen Malang	SMA	swasta	1.000.000-2.000.000	Belum Kawin		Tidak	Far Advanced	TB RR	medium	sesak	kasus baru	TA	T,A
52	P51	47	P	Babatan Rt3/8 Wlingi	SMA	Pedagang	1.000.000-2.000.000	Kawin		Tidak	Far Advanced	TB RR	low	sesak	gagal kat I	AA	A,A
53	P52	48	L	Sutojayan, RT2/2 Pakisaji Malang	S1	Pedagang	2.000.000-3.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	high	hemoptoe	tidak konversi II	TA	T,A
54	P53	44	L	Perum Asabri 189 RT 5/12 Kanigoro	S1	Karyawan Swasta	2.000.000-3.000.000	Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	high	sesak	gagal kat 1	AA	A,A
55	P54	29	L	Dsn Keboireng RT 1/9 Gempol Pasuruan	S1	Karyawan Swasta	2.000.000-3.000.000	Belum Kawin	Ya		Far Advanced	TB RR	low	sesak	gagal kat II	TT	T,T

KONTROL SEHAT

No	Nama	Umur	JenKel	Alamat	Pendidikan	Pekerjaan	Penghasilan	Status Perkawinan	Status merokok		Genotip	Alel
									Ya	Tidak		
1	K1	18	P	Ds Selorejo Blitar	S1	Mahasiswa	2.000.000-3.000.000	Belum Kawin		Tidak	TT	T, T
2	K2	35	P	Ds Lowoksoro RT 10/1 Pakis	S1	Swasta		Kawin		Tidak	AA	A, A
3	K3	18	L	Ds Tlekung Junrejo Batu	s1	Mahasiswa		Belum Kawin	Ya		TT	T, T
4	K4	22	P	Ds Lang lang Singosari Malang	S1	Mahasiswa		Belum Kawin		Tidak	TA	T, A
5	K5	20	P	Ds Jatikalang RT 3/1 Sidoarjo	S1	Mahasiswa		Belum Kawin		Tidak	TT	T, T
6	K6	21	P	Sekarsari RT 4/5 Sekargadung Pujon	S1	Mahasiswa		Belum Kawin		Tidak	TT	T, T
7	K7	18	P	Ds Pondok Sedati RT 18/9 Selorejo	S1	Mahasiswa		Belum Kawin		Tidak	TT	T, T
8	K8	19	L	Dsn Montong Buwuh	S1	Mahasiswa		Belum Kawin	Ya		TT	T, T
9	K9	21	P	Swargabara Sanggata	S1	Mahasiswa		Belum Kawin		Tidak	TA	T, A

10	K10	29	L	Kota Gadang jaya rasamanan Malang	S1	Swasta		Kawin	Ya	TT	T, T	
11	K11	35	P	Jln Kol Sugiono X 4/4 Rt 8/1 Malang	SMA	Swasta	2.000.000-3.000.000	Kawin		Tidak	AA	A, A
12	K12	20	P	Wisma Cakra Indah 12-A RT 1 Malang	S1	Mahasiswa		Belum Kawin		Tidak	TA	T, A
13	K13	30	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TT	T, T
14	K14	31	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TT	T, T
15	K15	30	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TT	T, T
16	K16	28	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TA	T, A
17	K17	28	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TT	T, T
18	K18	37	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TA	T, A
19	K19	28	P	Malang	S1	PPDS		Belum Kawin		Tidak	AA	A, A
20	K20	34	P	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	AA	A, A
21	K21	28	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TA	T, A
22	K22	34	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TA	T, A
23	K23	30	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TA	T, A
24	K24	32	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TA	T, A
25	K25	31	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TT	T, T
26	K26	30	L	Malang	S1	PPDS		Kawin		Tidak	TT	T, T