BAB 2 TINJAUAN PUSTAKA

2.1 Klebsiella pneumonia

2.1.1 Morfologi dan Taksonomi

Klebsiella sp. pertama kali diteliti dan diberi nama oleh ahli bakteriologi Jerman yang bernama Edwin Jklebs (1834 – 1913) (CDC, 2011). Klebsiella sp. merupakan bakteri Gram negatif dari famili Enterobactericeae yang dapat ditemukan di traktus gastrointestinal dan traktus respiratorik (Brooks et al., 2001). Bakteri ini non – motil (tidak dapat bergerak), dapat membentuk kapsul baik dalam keadaan in vitro maupun in vivo, dan mampu memfermentasikan laktosa. Jika diwarnai dengan pewarna Gram, bakteri ini nampak berbentuk batang bewarna merah bata seperti pada Gambar 2.1 (Brooks et al., 2001).



Gambar 2.1 Pewarnaan gram *K. pneumoniae* . Pada pewarnaan gram terlihat bakteri *K. pneumoniae* berwarna merah bata (Irawan, 2009)

Beberapa spesies *Klebsiella sp.* yang sering menimbulkan manifestasi klinis antara lain adalah *Klebsiella pneumoniae, Klebsiella oxytoca, Klebsiella ozaenae dan Klebsiella rhinoscleromatis. Klebsiella pneumoniae* dapat hidup sebagai bakteri komensal pada saluran cerna manusia atau sebagai saprofit dalam sistem pernafasan. Sebanyak 5% feses manusia normal memiliki *K. pneumoniae*. Berdasarkan kebutuhannya akan oksigen, *Klebsiella sp.* merupakan bakteri fakultatif anaerob (Brooks *et al.*, 2001).

Klasifikasi secara ilmiah (CDC, 2011):

Kingdom : Bacteria

Phylum: Proteobacteria

Class : Gamma Proteobacteria

Order : Enterobacteriales

Family : Enterobacteriaceae

Genus : Klebsiella

Spesies : Klebsiella pneumoniae



Gambar 2.2 Koloni *K. pneumoniae* pada agar McConKey bewarna merah muda karena bakteri *K. pneumoniae* dapat memfermentasi laktosa (Sutawijaya , 2010)

2.1.2 Antigen, Enzim, dan Toksin

Anggota *Klebsiella sp.* mengekspresikan 2 tipe antigen pada permukaan sel, yaitu antigen O dan antigen K. Antigen O yang merupakan lipopolisakarida (LPS) terdiri dari 9 subtipe. Antigen O tahan terhadap panas dan alkohol, antigen ini juga dapat dideteksi dengan pemeriksaan aglutinasi bakteri (Brooks *et al.*, 2001).

Antigen K merupakan suatu *capsular polysaccharida* (polisakarida yang menyusun kapsul bakteri) dan terletak di luar antigen O. Antigen ini memiliki 80 subtipe. Kapsul pada bakteri *Klebsiella sp.* berfungsi untuk melindungi bakteri dari pengeringan dan fagositosis (Allen, 2006). Kedua antigen ini meningkatkan kemampuan *Klebsiella sp* dalam menginvasi sel tubuh (Brooks *et al.*, 2001).

BRAM

2.2 Klebsiella pneumoniae strain ESBL

2.2.1 Extended Spektrum Beta-laktamase (ESBL)

Extended Spektrum Beta-laktamase atau ESBL adalah suatu enzim beta-laktamase yang dapat menghidrolisis antibiotik beta-laktam diantaranya penicillin, cephalosporin generasi ketiga dan monobactam, akan tetapi dapat dihambat oleh inhibitor beta-laktamase yaitu asam klavulanat (Paterson, 2005).

Penggunaan antibiotik *cephalosporin* yang tidak bijaksana diduga menjadi dasar awal kemunculan *Klebsiella pneumoniae strain* ESBL pada tahun 1980. Plasmid yang mengalami mutasi pada gen pengkode enzim beta-laktamase ditemukan pada tahun 1983. Plasmid ini mengalami mutasi pada salah satu gen SHV-1 dan hal inilah yang menyebabkan bakteri tersebut dapat memproduksi enzim beta-laktamase (Knothe, 1983). Tidak lama kemudian, Brun pada tahun 1987 menemukan jenis ESBL lainnya, dan jenis ini mengalami mutasi pada gen TEM – 1 dan gen TEM – 2 (Brun *et al.*, 1987).

Ketika satu *strain* bakteri mengalami reproduksi secara seksual melalui pertukaran materi genetik dengan bakteri lainnya lewat jalur

konjugasi, maka bakteri tersebut akan memindahkan materi genetik berupa plasmid secara langsung melalui kontak sel dengan membentuk struktur jembatan villi diantara dua sel bakteri yang berdekatan. Umumnya reproduksi seksual secara konjugasi ini terjadi pada bakteri Gram negatif. Ketika konjugasi, bakteri yang masih rentan terhadap antibiotik beta-laktam bisa mendapatkan plasmid yang mengekspresikan sifat beta-laktamase sepeti TEM – 1 atau SHV -1 dari bakteri pasangannya, sehingga bakteri ini akan mengekspresikan resistensi terhadap antibiotik beta-laktam. (Sanders *et al.*, 2001).

2.2.2 Mekanisme Resistensi ESBL

Beta-laktam adalah kelompok antibiotik yang bekerja pada dinding sel bakteri. Antibiotik yang tergolong dalam kelompok beta-laktam diantaranya *penicillin*, *cephalosporin*, dan *monobactam*. Beta-laktam bekerja sebagai antimikroba dengan menghambat kerja dari enzim karboksipeptidase dan transpeptidase yang mengkatalisasi ikatan silang antara D-ala dan D-ala. Hambatan ikatan silang ini melemahkan struktur dinding sel bakteri. Karboksipeptidase dan transpeptidase juga dikenal sebagai PBP atau *penicillin-binding proteins* (Rawat *et al.*, 2009).

Mekanisme resistansi terhadap beta-laktam terjadi terutama karena bakteri memproduksi enzim beta-laktamase yang dapat menghidrolisis gugus tertentu pada antibiotik beta-laktam (Livermoore et al., 2006). Jika bakteri mengalami mutasi pada gen TEM-3, SHV-2 atau jika gen yang mengkode TEM-1 dan SHV-1 pada acquired penisillinase (jenis bakteri yang resisten terhadap penicillin tapi masih rentan terhadap

antibiotik cephalosporin) bermutasi maka bakteri ini akan memiliki kemampuan untuk menghidrolisis hampir seluruh golongan beta-laktam, yaitu *penicillin*, seluruh generasi *cephalosporin* dan juga *monobactam* (Sanders *et al.*, 2001). Jika bakteri mendapatkan plasmid yang mengandung AmpC beta-laktamase atau jika terjadi mutasi pada promoter gen *ampC* bakteri tersebut, maka akan terjadi peningkatan produksi AmpC beta-laktamase. Hasil dari proses ini adalah dihasilkannya *cephalosporinase* (Sanders *et al.*, 2001).

Tabel 2.1 Hubungan fenotip K. pneumoniae dengan antibiotik (Sanders, 2000)

	DXA OFFER	b 69
Fenotip	Contoh beta-laktamase	Obat yang dipengaruhi
Wild type	7.10人	Rentan terhadap semua antibiotik betalaktam
Acquired penicillinase	TEM-1, SHV-1, OXA-1	Resisten terhadap penicillin dan cephalosporin golongan lama seperti cephalothin
ESBL	TEM-3, SHV-2	Sama seperti acquired penicillinase ditambah dengan resisten terhadap cephalosporin golongan ketiga dan aztreonam
Cephalosporinase	Gen <i>ampC</i> yang dimediasi plasma, hiperproduksi kromosom AmpC	Sama seperti bakteri ESBL lainnya, dan cephamycin

BRAWIJAYA

2.2.3 Perkembangan ESBL

Plasmid yang mengkode TEM 1 beta-laktamase pada bakteri gram negatif pertama kali ditemukan pada tahun 1960 yang diambil pada kultur darah seorang pasien bernama Temoniera dari Yunani (Bradford, 2001). Enzim TEM 1 beta-laktamase sendiri seringkali ditemukan di dalam plasmid atau transposon bakteri keluarga Enterobacteriaceae, Pseudomonas aeruginosa, Haemophilus influenza dan Neisseria gonorrhea. Sementara pada Klebsiella sp. dan Escherichia coli lebih banyak ditemukan SHV-1 beta-laktamase dibandingkan dengan TEM-1 beta-laktamase (Rawat et al., 2009).

Pada awal 1980, *cephalosporin* generasi ketiga ditemukan sebagai terapi pengganti antibiotik beta-laktam pada penderita bakteri penghasil beta-laktamase. Tiga tahun kemudian yaitu pada tahun 1983 ditemukan bakteri yang menghasilkan enzim SHV – 2 beta-laktamase yang dapat menghidrolisis bukan hanya antibiotik beta-laktam, tapi juga antibiotik golongan *cephalosporin* generasi ketiga dan *aztreonam*. Enzim ini kemudian disebut sebagai *extended-spectrum beta-lactamase* atau ESBL karena kemampuan enzim ini dalam menghidrolisis lebih banyak antibiotik terutama golongan *cephalosporins* (Rawat *et al.*, 2009).

2.2.4 Klasifikasi ESBL

Banyak klasifikasi yang digunakan dalam pengelompokkan ESBL, tetapi yang paling sering digunakan adalah klasifikasi Ambler yang berdasarkan sifat genotip dan klasifikasi Bush-Jacoby-Medeiros yang berdasarkan sifat fenotip.

Kelompok terbesar pada ESBL adalah kelompok TEM beta-laktamase dan kelompok SHV beta-laktamase, dengan lebih dari 150 anggota. Sedikit perubahan atau mutasi dari beberapa asam amino dapat menyebabkan peningkatan yang signifikan terutama kemampuan menguraikan gugus oksimino beta-laktam yang normalnya tidak dapat diuraikan oleh bakteri TEM dan SHV biasa. Hal ini menyebabkan bakteri mutan dapat menghidrolisis oksimino cephalosporin sehingga dapat meningkatkan spektrum kerja enzim beta-laktamase yang awalnya masih rentan terhadap cephalosporin (Livermoore et al., 2006).

Kelompok kedua terbesar ESBL adalah CTX – M beta-laktamase. Berdasarkan kesamaan homologi sekuens, grup ini dibagi lagi menjadi 5 subgrup dengan 40 anggota. Hampir semua subgrup ini mendapatkan gen beta-laktamase dari bakteri enterokokkus, *Kluvera spp* (Rawat *et al.*, 2009).

Bakteri *Enterobacteriaceae* (terutama *Escherichia coli*) yang menghasilkan enzim CTX – M beta-laktamase telah diidentifikasi, sebagian berasal ditemukan pada komunitas sebagai penyebab utama dari infeksi saluran kemih (Pitout, 2005). Beberapa penelitian menyebutkan bahwa akhir – akhir ini, ESBL jenis CTX – M merupakan ESBL terbanyak yang ditemukan di dunia (Livermoore *et al.*, 2006).

Jenis OXA beta-laktamase (grup 2d) memiliki kemampuan dalam menghidrolisis gugus oxacillin beta-laktam. OXA beta-laktamase pertama kali ditemukan pada *Pseudomonas aeruginosa* yang berasal dari Turki. OXA beta-laktamase tidak hanya ditemukan pada *Pseudomonas aeruginosa* (Weldhagen, 2004).

Seiring berjalannya waktu, terjadi mutasi pada ESBL tipe OXA beta-laktamase jika dibandingkan dengan enzim OXA beta-laktamase sebelumnya. OXA-10 memiliki kemampuan yang lemah dalam menghidrolisis antibiotik cefotaxime, ceftriaxone dan aztreonam, sehingga bakteri yang mengalami mutasi pada OXA-10 tergolong masih rentan terhadap antibiotik jenis ini; akan tetapi OXA-11, -14, -16, -17, -19, -15, -18, -28, -31, -32, -35 dan -45 memiliki kemampuan yang kuat dalam menghidrolisis antibiotik tersebut, sehingga bakteri golongan ini sangat resisten terhadap cefotaxime dan kadang ceftazidime dan aztreonam (Danel et al., 1999; Danel et al., 1995; Danel et al., 1997; Danel et al., 1998; Hall et al., 1993; Toleman et al., 2003).

Beberapa bakteri mampu menghasilkan metalloenzym yang mampu menghidrolisis carbapenem yang diiringi dengan produksi enzim OXA yang mampu menghidrolisis aztreonam dapat menyebabkan suatu bakteri resisten terhadap semua golongan antibiotik beta-laktam (Toleman et al., 2003).

Tabel 2.2 Klasifikasi ESBL secara fungsional (Bush et al., 1995)

Bush- Jacoby- Medeiros group	1989 Bush group	Richmond- Sykes class (253)	Mitsuhashi-Inoue type (194) ^a	Molecular class (2, 121, 132)	Preferred substrates	Inhibited by:		Representative
	(44)					CA ^b	EDTA	enzymes
1	1	Ia, Ib, Id	CSase	C	Cephalosporins	570	850	AmpC enzymes from gram- negative bacteria; MIR-1
2a	2a	Not included	PCase V	Α	Penicillins	+	12	Penicillinases from gram- positive bacteria
2b	2b	Ш	PCase I	A	Penicillins, cephalosporins	+	-	TEM-1, TEM-2, SHV-1
2be	2b'	Not included except K1 in class IV	CXase	Α	Penicillins, narrow-spec- trum and extended- spectrum cephalospo- rins, monobactams	+	86-85	TEM-3 to TEM-26, SHV-2 to SHV-6, Klebsiella oxy- toca K1
2br	Not included	Not included	Not included	A	Penicillins	±	3.00	TEM-30 to TEM-36, TRC-1
2c	2c	II, V	PCase IV	A	Penicillins, carbenicillin	+	_	PSE-1, PSE-3, PSE-4
2d	2d	v	PCase II, PCase III	D	Penicillins, cloxacillin	±	85.00	OXA-1 to OXA-11, PSE-2 (OXA-10)
2e	2e	Ic	CXase	A	Cephalosporins	+	2573	Inducible cephalosporinases from Proteus vulgaris
2f	Not included	Not included	Not included	A	Penicillins, cephalospo- rins, carbapenems	+	177	NMC-A from Enterobacter cloacae, Smc-1 from Ser- ratia marcescens
3	3	Not included	Not included	В	Most β-lactams, including carbapenems	100	+	L1 from Xanthomonas mal- tophilia, CcrA from Bac- teroides fragilis
4	4	Not included	Not included	ND€	Penicillins	359	?	Penicillinase from Pseudo- monas cepacia

2.2.5 Manifestasi klinis ESBL

Klebsiella pneumoniae menduduki ranking kedua setelah Eschericia coli sebagai penyebab infeksi saluran kemih terutama pada orang lanjut usia. Klebsiella pneumoniae juga merupakan patogen opportunistik untuk pasien dengan penyakit paru – paru kronis dan rhinoscleroma. Penyakit yang ditimbulkan oleh bakteri ini terutama adalah pneumonia (Carpenter, 1990).

Klebsiella pneumoniae merupakan jenis bakteri penghasil ESBL terbanyak penyebab sepsis di RSU Dr Soetomo yaitu sebanyak 25 penderita (52,08%), diikuti oleh *E. coli* sebanyak 23 penderita (47,92%), Klebsiella oxytosa sebanyak 2 penderita (4,2%), Enterobacter aerogenes sebanyak 1 penderita (2,1%) dan Enterobacter cloaca sebanyak 1 penderita (2,1%) seperti yang terlihat pada tabel 2.3. (Irawan et al., 2011).

Tabel 2.3. Distribusi jenis bakteri ESBL berdasarkan bahan kultur penderita sepsis di IRNA Medik Penyakit Dalam RSU Dr Soetomo tahun 2011(Irawan *et al.*, 2011)

Kuman ESBL	Bahan Kultur			
	Darah	Urine	Sputum	Pus
E. coli	3	11	4	5
Klebsiella pneumoniae	3	7	9	6
Klebsiella oxytoca	0	0	0	2
Enterobacter aerogenes	0	0	0	1
Enterobacter cloacae	0	0	0	1

Irawan melaporkan bahwa dari empat puluh delapan penderita sepsis, tujuh diantaranya atau 14,58 % berlanjut menjadi *septic shock* yaitu sepsis yang ditandai dengan adanya hipotensi atau hipoperfusi yang menetap meskipun telah dilakukan resusitasi cairan (Irawan *et al.*, 2011)

Tabel 2.4 Derajat keparahan penderita sepsis dengan bakteri ESBL positif di IRNA Medik Penyakit Dalam RSU Dr. Soetomo tahun 2011(Irawan *et al.*, 2011)

Derajat Sepsis	Frekuensi	Persentase
Sepsis	28	58,33 %
Sepsis Berat	13	27,08 %
Syok septik	7	14,58 %
Total	48	100 %

2.3 Uji Biokimia untuk Deteksi ESBL

Berdasarkan uji manual, *Klebsiella pneumoniae* dinyatakan positif ESBL jika pada *plate* dengan asam klavulanat (inhibitor beta-laktamase) terjadi penurunan Kadar Hambat Minimum (KHM) antibiotik *ceftazidime* dan *cefotaxime* berdasarkan CLSI. (CLSI, 2006). Prinsip ini merupakan dasar dari berbagai pemeriksaan fenotip lainnya diantaranya seperti tes *Etest* ESBL, tes *double* – *disc*, dsb (Carter, 2000).

Uji biokimia otomatis dapat menjadi alternatif konfirmasi ESBL. Prinsip kerja uji biokimia otomatis sama dengan uji manual, yaitu menguji sensitivitas dan resistensi bakteri terhadap berbagai jenis antimikroba uji. Interpretasi ESBL pada uji biokimia otomatis juga dilakukan berdasarkan CLSI menggunakan beberapa indikator antibiotik, diantaranya adalah *cefotaxime*, *ceftriaxone*,

ceftazidime, cefpodoxime, dan aztreonam (Sanders, 2000). Konfirmasi Klebsiella pneumoniae strain ESBL dan strain non-ESBL dilakukan berdasar hasil uji biokimia otomatis dengan mesin Vitek2 (bioMerioux).

2.4 Lama Rawat Inap

Lama rawat inap menunjukkan berapa hari lamanya seorang pasien dirawat inap pada satu episode perawatan. Satuan untuk lama rawat inap adalah "hari". Cara menghitung lama rawat inap yaitu dengan menghitung selisih antara tanggal pulang (keluar dari rumah sakit, hidup maupun meninggal) dengan tanggal masuk rumah sakit. Dalam hal ini, untuk pasien yang masuk dan keluar pada hari yang sama, lama rawat inapnya dihitung satu hari (Indradi, 2007).